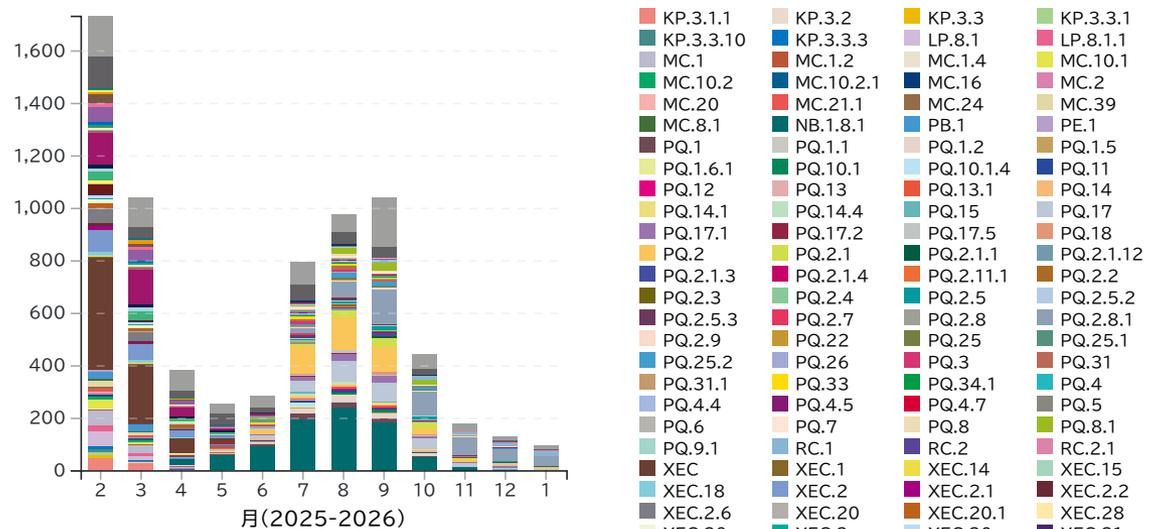


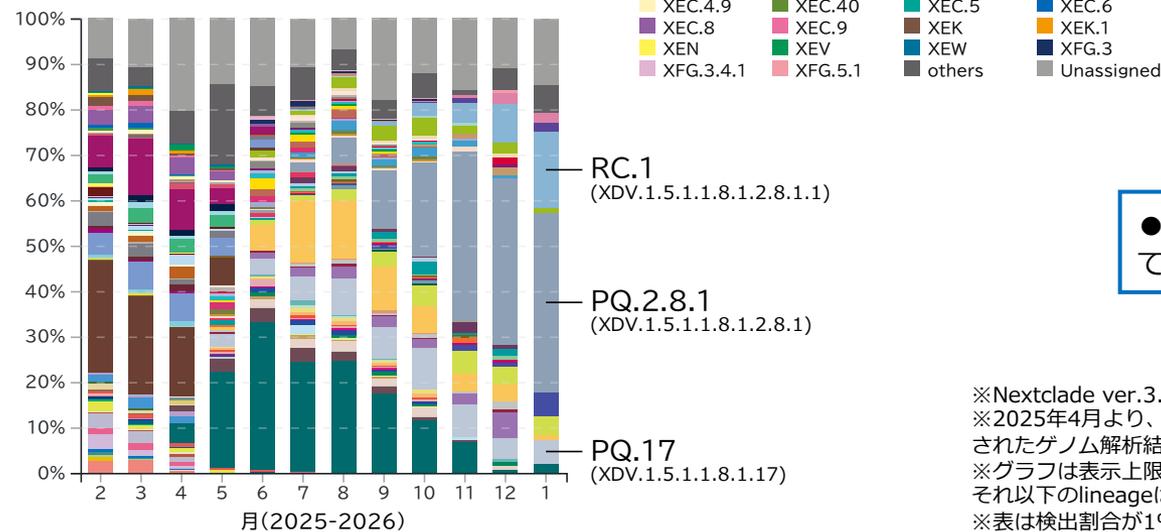
# 全国のゲノムサーベイランスによる系統別検出状況（国立感染症研究所）

## 新型コロナウイルスゲノムのPANGO Lineage変遷（1月単位）（2026年2月18日現在）

### Lineageの検出数(積み上げ)



### Lineageの割合



Pango lineage (Nextclade 3.18.1)	検体数 (2026年1月)	割合
<b>NB.1.8.1系統</b>	<b>77</b>	<b>80.21%</b>
PQ.2.8.1	38	39.58%
RC.1	16	16.67%
PQ.17	5	5.21%
PQ.2.1.3	5	5.21%
PQ.2.1	4	4.17%
RC.2	2	2.08%
NB.1.8.1	2	2.08%
RC.2.1	2	2.08%
PQ.8.1	1	1.04%
PQ.2	1	1.04%
PQ.2.4.4	1	1.04%
<b>XFG系統</b>	<b>3</b>	<b>3.13%</b>
QF.5	1	1.04%
XFG.5.2	1	1.04%
XFG.21	1	1.04%
<b>その他</b>	<b>16</b>	<b>16.67%</b>
XFW.1.1.1	2	2.08%
Unassigned	14	14.58%
<b>総計</b>	<b>96</b>	<b>100.00%</b>

● NB.1.8.1系統とその亜系統が依然大多数を占めている

※Nextclade ver.3.18.1により解析  
 ※2025年4月より、急性呼吸器感染症サーベイランスの一環として、地方衛生研究所で解析されたゲノム解析結果を集計  
 ※グラフは表示上限数により表示期間中の検出数で上位125番目までのlineage名を記載し、それ以下のlineageはothersとして記載  
 ※表は検出割合が1%未満のlineageはOthersとして記載  
 ※今後、解析データの追加登録が行われ、数値の変動があることに留意