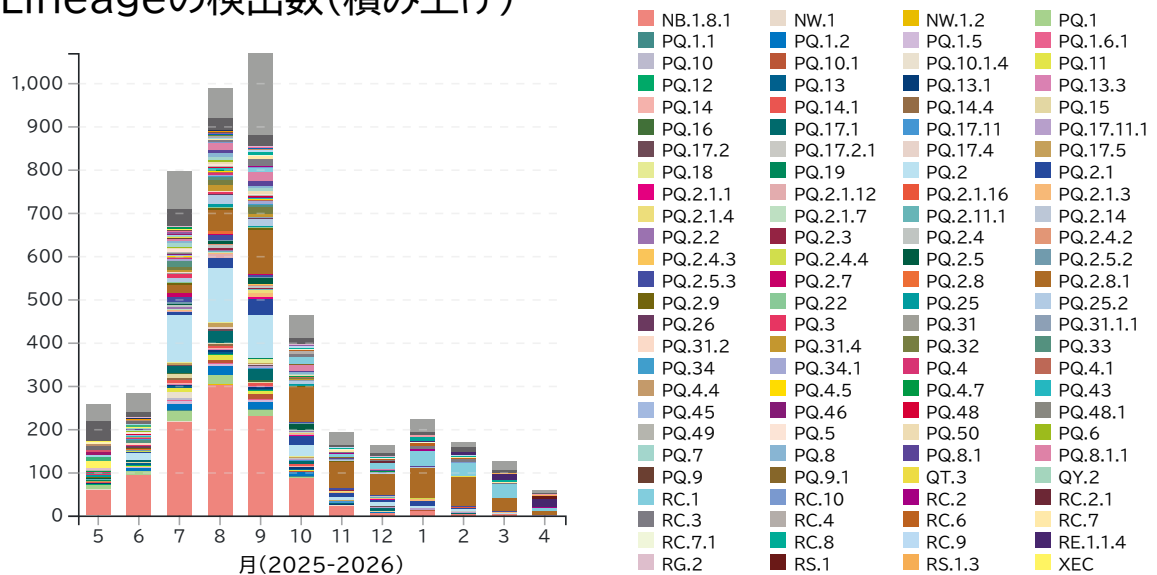


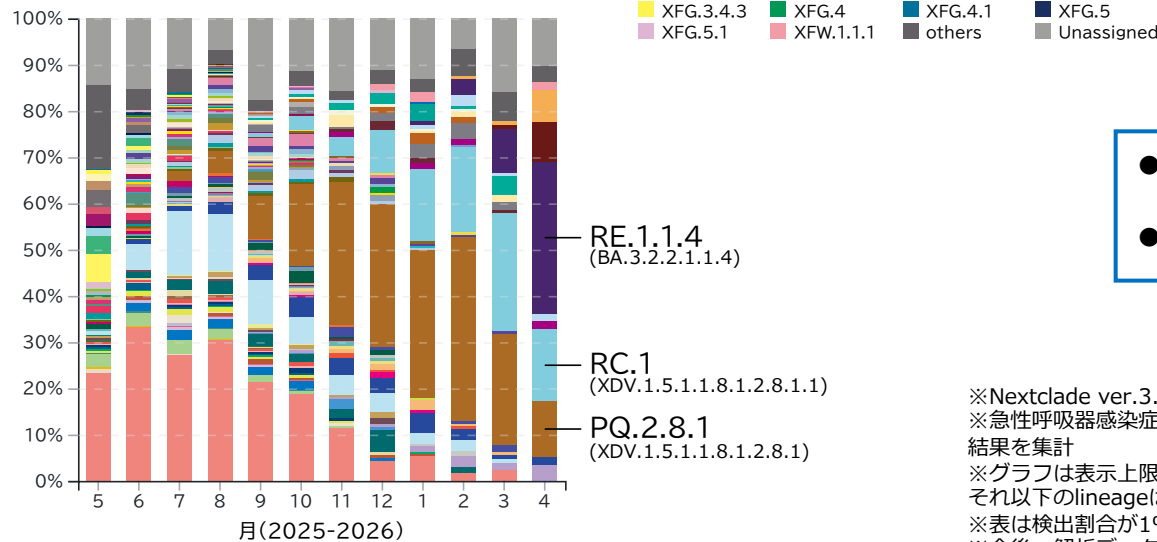
# 全国のゲノムサーベイランスによる系統別検出状況（国立感染症研究所）

## 新型コロナウイルスゲノムのPANGO Lineage変遷（1月単位）（2026年5月20日現在）

### Lineageの検出数(積み上げ)



### Lineageの割合



Pango lineage (Nextclade 3.21.2)	検体数 (2026年4月)	割合
<b>NB.1.8.1系統</b>	<b>23</b>	<b>39.66%</b>
RC.1	9	15.52%
PQ.2.8.1	7	12.07%
PQ.31.3.1	2	3.45%
PQ.17.11.1	2	3.45%
RC.2	1	1.72%
RC.9	1	1.72%
PQ.2.1	1	1.72%
<b>BA.3.2系統</b>	<b>28</b>	<b>48.28%</b>
RE.1.1.4	19	32.76%
RS.1	5	8.62%
RS.1.3	4	6.90%
<b>その他</b>	<b>7</b>	<b>12.07%</b>
XFW.1.1.1	1	1.72%
Unassigned	6	10.34%
<b>総計</b>	<b>58</b>	<b>100.00%</b>

- NB.1.8.1系統の亜系統が減少を続けている
- BA.3.2系統の亜系統が増加を続けている

※Nextclade ver.3.21.2により解析  
 ※急性呼吸器感染症サーベイランスの一環として、地方衛生研究所で解析されたゲノム解析結果を集計  
 ※グラフは表示上限数により表示期間中の検出数で上位125番目までのlineage名を記載し、それ以下のlineageはothersとして記載  
 ※表は検出割合が1%未満のlineageはOthersとして記載  
 ※今後、解析データの追加登録が行われ、数値の変動があることに留意